

قياس المبدأ التطوري "اصطفاء الأصح" لأول مرة



⚡ طاقة وبيئة

قياس مبدأ اصطفاء الأصح لأول مرة



www.nasainarabic.net

@NasalnArabic

NasalnArabic

NasalnArabic

NasalnArabic

NasalnArabic



فهد يطارد غزال. يستطيع الاصطفاء تفسير لماذا يجري الفهد بشكل سريع - الفهود السريعة تستطيع اصطياد فرائسها لتطعم صغارها.

حقوق الصورة : © Prazis / Fotolia

يعتبر اختلاف في الأفضلية مقداره جزء واحد بالمئة كافيًا للاصطفاء بين الفائزين والخاسرين في التطور. هذا وقد تمكن الباحثون لأول مرة من تقدير كمية قوى الاصطفاء الصغيرة التي تقوم بصياغة العوامل الوراثية للبكتيريا، وتم نشر هذا البحث في مجلة **PLoS Genetics**.

قدمت نظرية داروين في التطور مفهوم "البقاء للأصلح"، ففي كل جيل يتم اصطفاء الأفراد "الأصلح"، وتعتبر هذه قوى رئيسية تعمل على

رسم معالم العالم الحيوي الذي نراه اليوم. حيث يستطيع الاصطفاء تفسير لماذا يجري الفهد بشكل سريع – فالفهود السريعة تستطيع اصطياد فرائسها لتطعم صغارها. الفهود التي لا تجري بسرعة تحصل على طعام أقل، وبالتالي، القليل من صغارها يتمكن من البقاء حياً. يعمل الاصطفاء مع الزمن على استبعاد الفهود التي لا تستطيع الجري بسرعة كافية. ولكن، ما هو مقدار السرعة التي تعتبر سرعة كافية، وهل يجب أن يكون الفرق بين السرعات كبيراً ليكون الاصطفاء فعالاً؟ طرح هذا السؤال باحثان في جامعة أوبسالا **Uppsala University**، جيريت برانديس **Gerrit Brandis** وهو طالب دراسات عليا والبروفيسور ديارميد هوغز **Diarmid Hughes**.

استخدم برانديس وهوغز السالمونيلا (**Salmonella**) وهي بكتيريا تصيب الإنسان والحيوانات) لقياس قوة الاصطفاء التي تختار الأفراد الأصحاء. تشابه السالمونيلا الحيوانات كالفهود في تنافسها من أجل الغذاء وفي كونها تتعرض لاصطفاء شديد أثناء استخدامها للغذاء لتنمو بسرعة أو بشكل أسرع من الأفراد الأخرى التي توجد في نفس بيئتها. ويختار التطورُ التنوعات الأصحاء.

لكي تنمو البكتيريا، تقوم كجميع الكائنات الحية بترجمة شيفرتها الوراثية إلى أحماض أمينية، والتي ترتبط مع بعضها لتكوين البروتينات. سرعة هذه الترجمة تحدد سرعة نمو السالمونيلا. تعتبر ترجمة الشيفرة الوراثية واحدة من أقدم العمليات الحيوية، وقد خضعت للاصطفاء لمليارات السنين على الأرض.

تتميز الشيفرة الوراثية بالوفرة، وهذا يعني أنه يوجد العديد من الكودونات المختلفة (**codon** شيفرة من ثلاث نيكليوتيدات) التي يمكن ترجمتها إلى حمض أميني واحد. تتميز بعض الأحماض الأمينية بأنه يمكن استخدام ستة كودونات مختلفة لإنتاجها. تساءل برانديس وهوغز فيما إذا كان استخدام كودون محدد دون غيره يحدث فرقاً في تصنيع البروتين **EF-Tu**، وهو واحد من أهم البروتينات في السالمونيلا.

جرب برانديس وهوغز الكثير من الكودونات المختلفة وأظهرا أن مجرد تبديل كودون واحد في المورثة المسؤولة عن هذا البروتين بأي من الكودونات البديلة المرادفة قد يخفّض من أفضلية السالمونيلا. تُعد الكودونات التي تستخدمها السالمونيلا بشكل طبيعي هي الأفضل، وأي تغيير فيها يخفّض من أفضلية هذه البكتيريا. قام برانديس وهوغز بالتقدير الكمي لتغيرات الأفضلية الناتجة عن تبديل الكودونات لهذا البروتين. وسطياً، فإن تبديل كودون واحد يخفّض أفضلية هذه البكتيريا بمعدل 0.01 لكل جيل. هذا التغيير الطفيف في الأفضلية يعتبر كبيراً بما يكفي للتطور ليختار تسلسل الـ **DNA** الأصحاء وهو يسبب ما يدعى "انحياز استخدام الكودونات" – والذي يعني الاستخدام الواسع لكودونات محددة لتصنيع بروتينات تتميز بقوة تعبير ظاهري عالية. ينتشر انحياز استخدام الكودونات تقريباً في جميع الكائنات سريعة النمو، بما فيها البكتيريا والخمائر التي تصيب الإنسان. صاغ التطور آلية الترجمة لديها بحيث تستطيع أن تنمو بأكثر سرعة وفعالية ممكنة – ليس بالضرورة أن يكون هذا جيداً لنا نحن، بل يكفي أن يكون جيداً لبقاء البكتيريا والخمائر.

يقول ديارميد هوغز: "العبرة من ذلك أن التطور، الذي يعمل منذ مدة طويلة جداً (مئات ملايين السنين)، يستطيع اصطفاء اختلافات بسيطة في الأفضلية النسبية للسالمونيلا تصل إلى نسبة 0.01 لكل جيل أو أقل من ذلك".

• التاريخ: 2016-06-05

• التصنيف: طاقة وبيئة

#البكتيريا #المبدأ التطوري #الاصطفاء #العوامل الوراثية



المصادر

ScienceDaily •

المساهمون

- ترجمة
 - رمزي نظام
- مراجعة
 - سمر غانم
- تحرير
 - طارق نصر
 - بنان محمود جوايره
- تصميم
 - علي كاظم
- نشر
 - حور قادري